```
<!--StartFragment-->RESULT 1
US-10-360-522-54
; Sequence 54, Application US/10360522
; GENERAL INFORMATION:
;  APPLICANT: Allefs, Josephus J.H.M.
;  APPLICANT:  Vossen v.d., Edwin A.G.
;  TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID ENCODING PRODUCT THAT PROVIDES PLANTS WITH
;  TITLE OF INVENTION:  FUNGAL RESISTANCE AND RELATED METHODS
;  FILE REFERENCE: U 014413-9
;  CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/360,522
;  CURRENT FILING DATE:  2003-02-07
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: EP 02075565.8
;  PRIOR FILING DATE: 2002-02-08
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/NL03/00091
;  PRIOR FILING DATE: 2003-02-07
;  NUMBER OF SEQ ID NOS: 63
;  SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 54
;   LENGTH: 970
;   TYPE: PRT
;   ORGANISM: Artificial Sequence
;   FEATURE:
;   OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: deduced
;   OTHER INFORMATION: Rpi-blb protein sequence domain A, B and C
;   FEATURE:
;   NAME/KEY: SITE
;   LOCATION: (1)..(970)
US-10-360-522-54

  Query Match             100.0%;  Score 5055;  DB 33;  Length 970;
  Best Local Similarity   100.0%;  Pred. No. 0;
  Matches  970;  Conservative    0;  Mismatches    0;  Indels    0;  Gaps    0;

Qy          1 MAEAFIQVLLDNLTSFLKGELVLLFGFQDEFQRLSSMFSTIQAVLEDAQEKQLNNKPLEN 60
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db          1 MAEAFIQVLLDNLTSFLKGELVLLFGFQDEFQRLSSMFSTIQAVLEDAQEKQLNNKPLEN 60

Qy         61 WLQKLNAATYEVDDILDEYKTKATRFSQSEYGRYHPKVIPFRHKVGKRMDQVMKKLKAIA 120
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db         61 WLQKLNAATYEVDDILDEYKTKATRFSQSEYGRYHPKVIPFRHKVGKRMDQVMKKLKAIA 120

Qy        121 EERKNFHLHEKIVERQAVRRETGSVLTEPQVYGRDKEKDEIVKILINNVSDAQHLSVLPI 180
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        121 EERKNFHLHEKIVERQAVRRETGSVLTEPQVYGRDKEKDEIVKILINNVSDAQHLSVLPI 180

Qy        181 LGMGGLGKTTLAQMVFNDQRVTEHFHSKIWICVSEDFDEKRLIKAIVESIEGRPLLGEMD 240
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        181 LGMGGLGKTTLAQMVFNDQRVTEHFHSKIWICVSEDFDEKRLIKAIVESIEGRPLLGEMD 240

Qy        241 LAPLQKKLQELLNGKRYLLVLDDVWNEDQQKWANLRAVLKVGASGASVLTTTRLEKVGSI 300
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        241 LAPLQKKLQELLNGKRYLLVLDDVWNEDQQKWANLRAVLKVGASGASVLTTTRLEKVGSI 300

Qy        301 MGTLQPYELSNLSQEDCWLLFMQRAFGHQEEINPNLVAIGKEIVKKSGGVPLAAKTLGGI 360
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        301 MGTLQPYELSNLSQEDCWLLFMQRAFGHQEEINPNLVAIGKEIVKKSGGVPLAAKTLGGI 360

Qy        361 LCFKREERAWEHVRDSPIWNLPQDESSILPALRLSYHQLPLDLKQCFAYCAVFPKDAKME 420
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        361 LCFKREERAWEHVRDSPIWNLPQDESSILPALRLSYHQLPLDLKQCFAYCAVFPKDAKME 420
```

```
Qy        421 KEKLISLWMAHGFLLSKGNMELEDVGDEVWKELYLRSFFQEIEVKDGKTYFKMHDLIHDL 480
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        421 KEKLISLWMAHGFLLSKGNMELEDVGDEVWKELYLRSFFQEIEVKDGKTYFKMHDLIHDL 480

Qy        481 ATSLFSANTSSSNIREINKHSYTHMMSIGFAEVVFFYTLPPLEKFISLRVLNLGDSTFNK 540
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        481 ATSLFSANTSSSNIREINKHSYTHMMSIGFAEVVFFYTLPPLEKFISLRVLNLGDSTFNK 540

Qy        541 LPSSIGDLVHLRYLNLYGSGMRSLPKQLCKLQNLQTLDLQYCTKLCCLPKETSKLGSLRN 600
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        541 LPSSIGDLVHLRYLNLYGSGMRSLPKQLCKLQNLQTLDLQYCTKLCCLPKETSKLGSLRN 600

Qy        601 LLLDGSQSLTCMPPRIGSLTCLKTLGQFVVGRKKGYQLGELGNLNLYGSIKISHLERVKN 660
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        601 LLLDGSQSLTCMPPRIGSLTCLKTLGQFVVGRKKGYQLGELGNLNLYGSIKISHLERVKN 660

Qy        661 DKDAKEANLSAKGNLHSLSMSWNNFGPHIYESEEVKVLEALKPHSNLTSLKIYGFRGIHL 720
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        661 DKDAKEANLSAKGNLHSLSMSWNNFGPHIYESEEVKVLEALKPHSNLTSLKIYGFRGIHL 720

Qy        721 PEWMNHSVLKNIVSILISNFRNCSCLPPFGDLPCLESLELHWGSADVEYVEEVDIDVHSG 780
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        721 PEWMNHSVLKNIVSILISNFRNCSCLPPFGDLPCLESLELHWGSADVEYVEEVDIDVHSG 780

Qy        781 FPTRIRFPSLRKLDIWDFGSLKGLLKKEGEEQFPVLEEMIIHECPFLTLSSNLRALTSLR 840
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        781 FPTRIRFPSLRKLDIWDFGSLKGLLKKEGEEQFPVLEEMIIHECPFLTLSSNLRALTSLR 840

Qy        841 ICYNKVATSFPEEMFKNLANLKYLTISRCNNLKELPTSLASLNALKSLKIQLCCALESLP 900
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        841 ICYNKVATSFPEEMFKNLANLKYLTISRCNNLKELPTSLASLNALKSLKIQLCCALESLP 900

Qy        901 EEGLEGLSSLTELFVEHCNMLKCLPEGLQHLTTLTSLKIRGCPQLIKRCEKGIGEDWHKI 960
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        901 EEGLEGLSSLTELFVEHCNMLKCLPEGLQHLTTLTSLKIRGCPQLIKRCEKGIGEDWHKI 960

Qy        961 SHIPNVNIYI 970
              ||||||||||
Db        961 SHIPNVNIYI 970
```

<!--EndFragment-->